

Manuel sur la récupération des données DHIS2

Table des matières

| | |
|--|----|
| Table des matières | 1 |
| Avant-propos | 2 |
| Méthode d'exportation de données | 2 |
| a) Sauvegarde de feuilles de calcul dans LabBook | 2 |
| b) Récupération des données | 3 |
| c) Importation des données dans le DHIS2 | 5 |
| Feuilles de calcul au cœur de l'extraction des données | 7 |
| a) Présentation des feuilles de calcul | 7 |
| b) Syntaxes reconnues par la colonne « filter » | 8 |
| c) Valeurs prises par la colonne « type_sample » | 14 |
| d) Fichier de données DHIS2 extrait de LabBook | 15 |
| Annexe | 17 |

Avant-propos

Ce manuel s'adresse aux laboratoires de biologie médicale (LBM) remontant des données sur le système d'information sanitaire au niveau communautaire (en anglais : District Health Information System) nommé DHIS2. Les éléments LabBook présentés dans ce manuel sont accessibles à un utilisateur ayant les droits de type « Biologiste » et « administrateur ». Si vous n'accédez à aucune des actions via votre interface, merci de contacter votre administrateur pour que ces droits puissent vous être attribués.

NB : Une feuille de calcul permet de récupérer les données que d'un formulaire DHIS2.

Méthode d'exportation de données

L'échange des données consiste en quatre (4) étapes :

- Configuration des feuilles de calcul ;
- Sauvegarde des feuilles de calcul ;
- Récupération des données ;
- Importation des données dans le DHIS2.

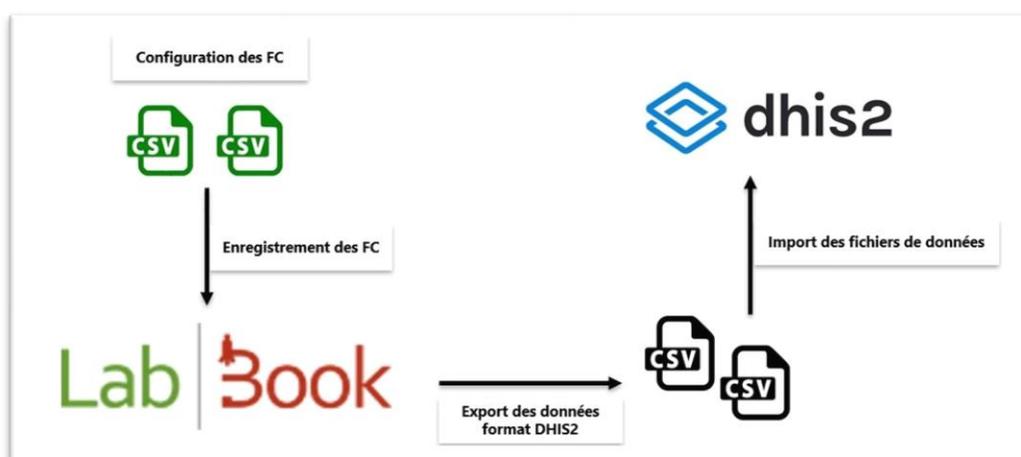


Figure 1 : Méthode d'échange des données LabBook vers DHIS2

La configuration des feuilles de calcul est dédiée exclusivement aux experts et administrateurs. Elle est détaillée dans le prochain chapitre.

a) Sauvegarde de feuilles de calcul dans LabBook

Par défaut, LabBook dispose d'une feuille de calcul basée sur la remontée de données liée aux maladies à déclaration obligatoire (MADO) de la direction des Laboratoires du Sénégal.

Pour changer de feuille de calcul, aller sur le menu « **Paramétrages** » et cliquez sur l'onglet « **Configuration DHIS2** ».

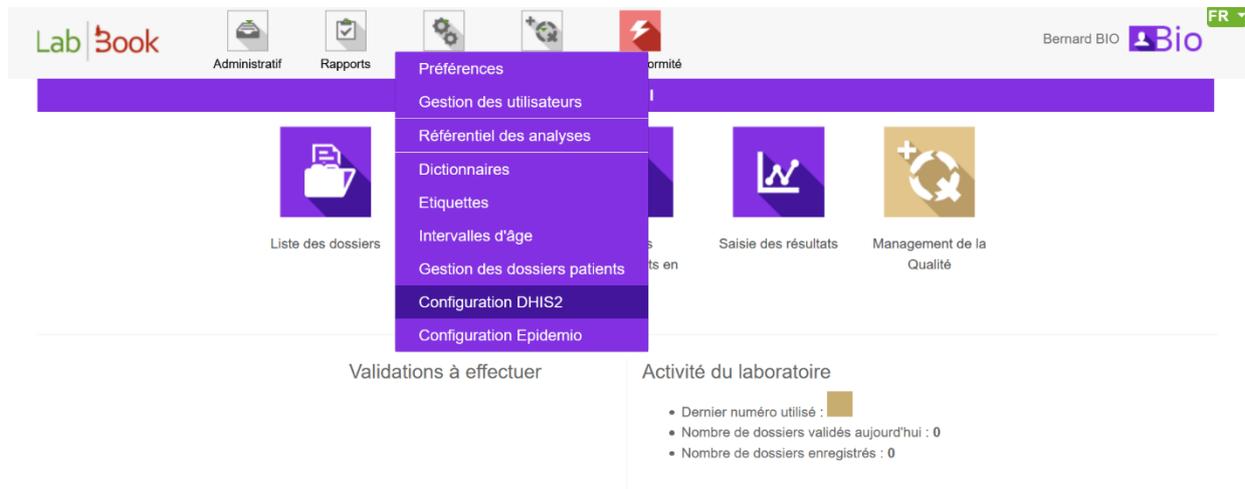


Figure 2 : Configuration DHIS2

Vous serez redirigé vers la page « **Paramétrage de l'export DHIS2** ». Cette page vous permet d'enregistrer vos feuilles de calcul. Pour cela sélectionner d'abord la feuille de calcul en cliquant sur le bouton « **Choisir un fichier** », puis cliquer sur « **Enregistrer la feuille de calcul** ». Une notification « **Enregistrement réussi** » vous sera envoyée si l'enregistrement s'est bien déroulé.

Toutes vos feuilles de calcul enregistrées sont listées sur la page. Il vous est possible de les télécharger ou de les supprimer. La page ci-dessous montre une (1) feuille de calcul enregistrée : DHIS2_MADO.



Figure 3 : Paramétrage de l'export DHIS2

b) Récupération des données

L'extraction des données se fait à partir de la page « **Export DHIS2** ». Pour y accéder cliquer sur le menu « **Rapports** », puis sur l'onglet « **Export DHIS2** ».

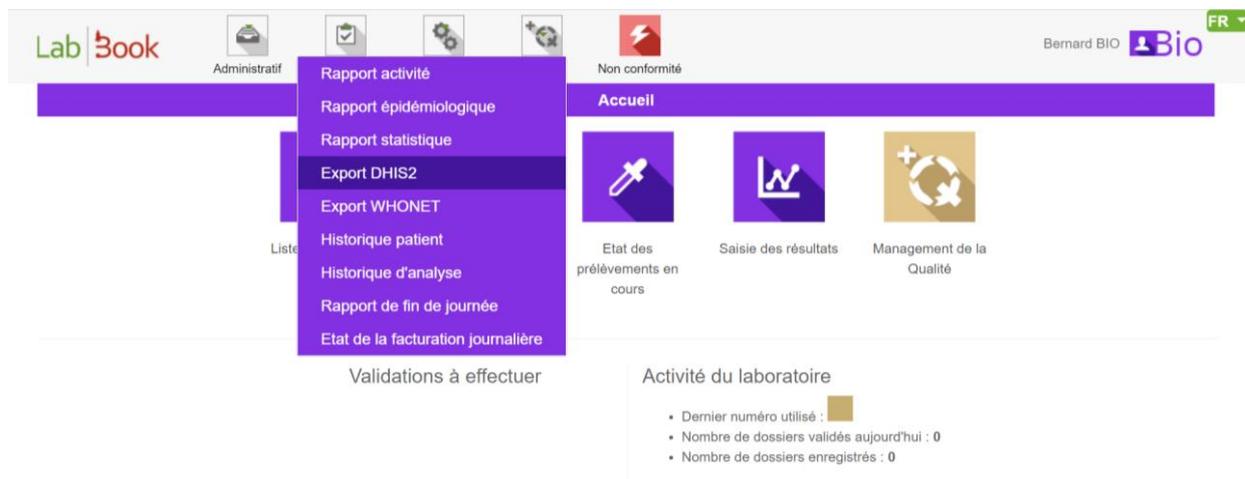


Figure 4 : Onglet Export DHIS2

(1) Sélectionner la période :

Feuille de calcul hebdomadaire : lundi et dimanche doivent être respectivement les dates de début et fin de période.

Feuille de calcul mensuelle : date de début doit correspondre au 1er du mois et la date de fin au dernier jour du mois sélectionné.

Exemple

Notification des données hebdomadaires les 14^{ème} et 15^{ème} semaine de l'année 2022 : les dates de début et fin de période sont respectivement 4 avril et 17 avril 2022.

Notifiez des données mensuelles des mois d'avril et mai 2022 : dates de début et fin de période sont respectivement 1^{er} avril et 31 mai 2022.

(2) Sélectionner Type période : Hebdomadaire ou Mensuelle

(3) Sélectionner la feuille de calcul

Dans la liste déroulante, sélectionnez la feuille de calcul souhaitée.

(4) Cliquer sur « Récupérer les données »

Le téléchargement du fichier de données se fait en cliquant sur le bouton « **Récupérer les données** ». Le fichier est automatiquement téléchargé et placé dans le dossier « **Téléchargements** » de votre ordinateur. Le nom du fichier téléchargé contient trois parties A_B_C : A => dhis2, B => nom de la feuille de calcul et C => date de début de la période.

Dans notre exemple nous avons sélectionné les périodes du 01/04/2022 au 17/04/2022, la feuille de calcul est nommée DHIS2_MADO. Le nom du fichier de données téléchargé est dhis2_DHIS2_MADO_2022-04-04-2022-04-17.

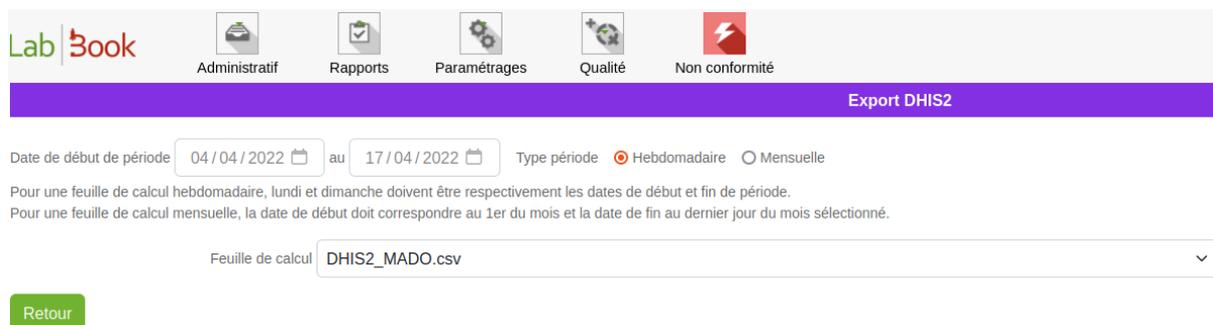


Figure 5 : Page « Export DHIS2 »

c) Importation des données dans le DHIS2

Cette section s'adresse aux utilisateurs qui ont accès à l'application Importer/Exporter du DHIS2. Ceux qui y n'ont pas accès peuvent partager le fichier de données téléchargé précédemment par e-mail à la personne ressource chargée d'importer les données dans DHIS2.

Cliquez sur l'icône cadré en rouge sur la figure 6 « **Importer/Exporter** » pour lancer le module Import/Export DHIS2.

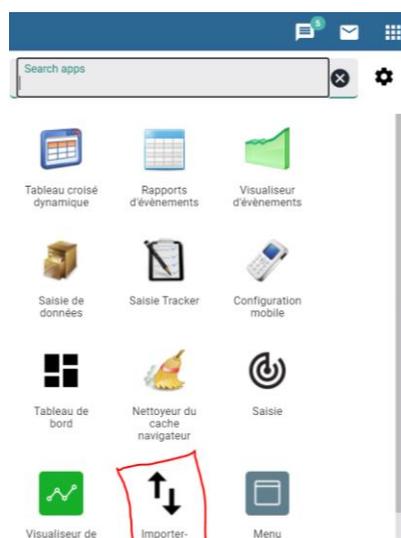


Figure 6 : Applications DHIS2

Vous serez redirigé vers la page Import/Export. Cliquez ensuite sur Data Import.

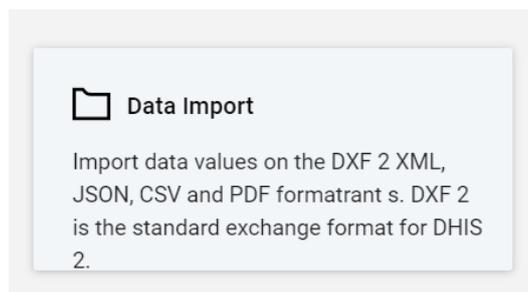


Figure 7 : Module Data Import DHIS2

Une nouvelle page vous est présentée. Laissez les paramètres par défaut et changer comme indiqué sur les éléments surlignés en rouge.

- (1) Sélectionner votre fichier de données en cliquant sur l'icône  .

Dans notre exemple nous avons sélectionné le fichier dhis2_RAM_2021-08-02.

- (2) Sélectionner le format CSV.
- (3) Sélectionner Name dans la liste proposé « Schéma des éléments de données ».
- (4) Sélectionner Name dans la liste proposé par « Schéma des unité d'organisation ».
- (5) Cliquez sur le bouton « Importer ».

Data Import

 dhis2_RAM_2021-08-02.csv

FORMAT

JSON XML ADX PDF CSV

DRY RUN

Yes No

FIRST ROW IS HEADER

Yes No

STRATEGY

New and updates New only Updates only Delete

PREHEAT CACHE

Yes (faster for large imports) No

MORE OPTIONS

Data element id scheme
Name

Org unit id scheme
Uid

Id scheme
Uid

SKIP EXISTING CHECK

Skip check (fast) Check (safe, recommended)

Importer

Figure 8 : Importer des données CSV dans DHIS2

Après avoir cliqué sur le bouton « Importer », le résumé donne un aperçu de l'opération :

| Import Summary | | | | |
|----------------|---------|---------|---------|-------|
| SUMMARY | | | | |
| Créé le | Deleted | Ignored | Updated | Total |
| 679 | 0 | 0 | 0 | 679 |

Figure 9 : Résumé import DHIS2

- Créé le : nombre d'éléments de données importé. Si tous les éléments de votre fichier de données sont importés, le nombre total est affiché.
- Deleted : nombre d'éléments de données supprimé.
- Ignored : nombre d'éléments de données ignoré. Si le contenu d'une cellule de votre fichier de données n'est pas reconnue alors la ligne correspondante est ignorée.
- Updated : nombre d'éléments de données mis à jour. Si vous importez plus d'une fois des éléments de données pour une même période, une même unité d'organisation et un même utilisateur alors les anciennes valeurs de ces éléments de données sont remplacées par les nouvelles.
- Total : nombre d'éléments de données importé.

La figure 9 indique l'importation réussie d'un fichier de données de 679 éléments de données. Si vous rencontrez des difficultés lors de l'import des données, vous pouvez contacter l'administrateur DHIS2.

Feuilles de calcul au cœur de l'extraction des données

Ce chapitre est destiné aux administrateurs chargé d'élaborer des feuilles de calcul adapté au DHIS2.

a) Présentation des feuilles de calcul

L'extraction des données DHIS2 depuis LabBook se fait avec l'aide de feuilles de calcul. La feuille de calcul est un fichier au format CSV. Les valeurs sont séparées par des points virgules (;), l'encodage utilisé est UTF-8. Elle contient cinq (5) colonnes :

- **dhis2_label** : Le libellé qui sera exporté (nom de l'élément de données)
- **version** : prévu pour distinguer les évolutions qu'ils pourraient y avoir sur ce service d'export (actuellement v3)
- **filter** : filtre pour affiner le calcul du résultat attendu
- **type_sample** : numéro identifiant correspondant au type de prélèvement. Si on ne souhaite pas filtrer sur le prélèvement alors mettre 0
- **categorieoptioncombo** : Propriété obtenu du DHIS2
- **attributeoptioncombon** : Propriété obtenu du DHIS2
- **orgunit** : Propriété obtenu du DHIS2 (Code de l'unité d'organisation)

- **storedby** : Propriété obtenu du DHIS2 (Nom d'utilisateur associé)

b) Syntaxes reconnues par la colonne « filter »

Exemple 1 :

| | |
|---------------|---|
| Syntaxe : | $\\$_IDVARIABLE = [NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE]$ |
| Explication : | Sélectionne les analyses dont l'un des résultats correspond à la valeur indiquée. |
| Exemple : | Compter les bacilles gram négatifs, la syntaxe est : $\$_333 = [gram.2]$ |

- 333 correspond à l'identifiant de la variable dans LabBook.

Pour retrouver l'identifiant de la variable :

Se connecter sur LabBook avec le profil « Biologiste » ;

Rechercher l'analyse correspondante dans le référentiel des analyses et cliquer sur éditer ;

The screenshot shows the LabBook interface. At the top, there are navigation icons for 'Administratif', 'Rapports', 'Paramétrages', 'Qualité', and 'Non conformité'. The user profile 'Bernard BIO' is visible. The main section is titled 'Référentiel des analyses' with a 'Rechercher' button. Below this, there are search filters: 'Désignation de l'acte' (input: B248), 'Famille d'analyse' (dropdown), 'Type de prélèvement' (dropdown), and 'Analyse active' (dropdown: Oui). A 'Rechercher' button is on the right. Below the filters, it shows 'Nombre total de lignes : 1' and navigation links 'Premier Précédent 1 Suivant Dernier'. A table displays the search results:

| Action | Code | Désignation | Abréviation | Famille | Statut | Produit bio. |
|---|------|---|-------------|---------------|--------|----------------------------|
| Editer Supprimer | B248 | Culot urinaire : examen direct (état frais, cytologie coloration) | | Bactériologie | Activé | PB3 : Prélèvement d'urines |

At the bottom of the page, there is a footer with the URL 'https://demo.lab-book.org/sigl/setting-det-analysis/265' and 'Version : 3.0.12 | Contributeurs'.

Figure 10 : Recherche de l'analyse B248 dans le Référentiel des analyses

En bas de la page analyse, vous trouverez la liste des variables liées à cette analyse.

Cliquer sur l'icône éditer. Pour notre exemple cliquer sur Coloration de Gram.

| Action | Nom | Unité | Min | Max | Num. var | Position |
|-----------------------|-----------------------|-------|-----|-----|----------|----------|
| | Parasites | | | | | |
| | Autre | | | | | 10 |
| | Flore bactérienne | | | | | 20 |
| | Coloration de Gram | | | | | 30 |
| Modifier | Aspect macroscopique | | | | | 40 |
| | Cellules épithéliales | | | | | 50 |
| | Leucocytes | /ml | | | | 60 |
| | Hématies | /ml | | | | 70 |
| | Levures | | | | | 80 |
| | Cristaux | | | | | 90 |

Version : 3.0.12 | [Contributeurs](#)

Figure 11 : Liste des variables de l'analyse B248

Les éléments de la variable sont positionnés dans leurs champs respectifs. L'identifiant de la variable « 333 » est dans le champ grisé Id.

Famille d'analyse: Bactériologie | Type de prélèvement: Urine

Unité de cotation: B | Valeur de cotation: 15 | Analyse active: Oui Non | Export whonet: Oui Non

Commentaires: La culture comprend : examen microscopique direct, isolement avec éventuellement identification complète de (s) germe(s) et antibiogramme.

Variables

Chercher une variable: +

Libellé *: Coloration de Gram | Code var.: 333 | Id: 333

Type de résultat *: Gram | Description:

Valeur normale min.: | Valeur normale max.:

Version : 3.0.12 | [Contributeurs](#)

Figure 12 : Variable coloration de Gram

- Gram correspond au nom du dictionnaire.

Retrouver la liste des dictionnaires (choix de réponses) en cliquant sur le menu « Paramétrages » puis sur l'onglet « Dictionnaires ». Il est possible de rechercher un élément du dictionnaire par son nom/libellé/code.

The screenshot shows the Lab Book interface. At the top, there is a navigation bar with icons for 'Administratif', 'Rapports', 'Paramétrages', 'Qualité', and 'Non conformité'. The 'Paramétrages' icon is highlighted. To the right, the user 'Bernard BIO' is logged in, and a language dropdown is set to 'FR'. Below the navigation bar, a purple header reads 'Liste des dictionnaires (choix de réponses)'. A search bar is labeled 'Rechercher' and contains the text 'bacilles à gram négatif'. Below the search bar, there are input fields for 'Nom', 'Libellé' (containing 'bacilles à gram négatif'), and 'Code'. A green 'Rechercher' button is to the right. Below the search bar, it says 'Nombre total de lignes : 1' and 'Premier Précédent 1 Suivant Dernier'. A table with two columns, 'Action' and 'Nom', is shown. The first row has a dropdown arrow in the 'Action' column and 'gram' in the 'Nom' column. A purple context menu is open over the first row, with options 'Editer', 'Supprimer', and 'Retour'. A green 'Ajouter un dictionnaire' button is at the bottom right. At the very bottom, a footer indicates 'Version : 3.0.12 | Contributeurs'.

Figure 13 : Recherche de bacilles à gram négatif dans le Dictionnaire

Dans notre exemple, la recherche de l'élément bacilles à gram négatif renvoie le nom gram. Cliquer sur Editer, la page « Dictionnaire » affiche les valeurs que peuvent prendre « gram » avec le libellé, le code, le libellé court et la position de l'élément.

Lab Book Bernard BIO FR

Administratif Rapports Paramétrages Qualité Non conformité

Dictionnaire

Nom du dictionnaire Ajouter une valeur

Valeurs

| Action | Libellé * | Code * | Libellé court | Position |
|--|--|--------|---------------|----------|
| <input type="button" value="Supprimer"/> | absence de germe visible | 1 | 1 | 10 |
| <input type="button" value="Supprimer"/> | bacilles à Gram négatif | 2 | 2 | 20 |
| <input type="button" value="Supprimer"/> | bacilles à Gram positif | 3 | 3 | 30 |
| <input type="button" value="Supprimer"/> | rare bacilles à Gram négatif | 4 | 4 | 40 |
| <input type="button" value="Supprimer"/> | bacilles à Gram négatif, bacilles à Gr | 5 | 5 | 50 |

Version : 3.0.12 | Contributeurs

Figure 14 : Valeurs prises par le dictionnaire "gram"

- 2 est le code de la valeur bacilles à Gram négatif dans le dictionnaire.

Lab Book Bernard BIO FR

Administratif Rapports Paramétrages Qualité Non conformité

Dictionnaire

Nom du dictionnaire Ajouter une valeur

Valeurs

| Action | Libellé * | Code * | Libellé court | Position |
|--|--|--------|---------------|----------|
| <input type="button" value="Supprimer"/> | absence de germe visible | 1 | 1 | 10 |
| <input type="button" value="Supprimer"/> | bacilles à Gram négatif | 2 | 2 | 20 |
| <input type="button" value="Supprimer"/> | bacilles à Gram positif | 3 | 3 | 30 |
| <input type="button" value="Supprimer"/> | rare bacilles à Gram négatif | 4 | 4 | 40 |
| <input type="button" value="Supprimer"/> | bacilles à Gram négatif, bacilles à Gr | 5 | 5 | 50 |

Version : 3.0.12 | Contributeurs

Figure 15 : Code du libellé "bacilles à gram négatif"

Exemple 2 :

| | |
|-------------|---|
| Syntaxe | <code>\$_IDVARIABLE = [NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE] ON ('CODE_ANALYSE')</code> |
| Explication | Sélectionne les analyses dont l'un des résultats correspond à la valeur indiquée pour le code d'analyse indiqué. |
| Exemple | Compter le nombre de fois que RESISTANT a été choisi comme résultat sur l'analyse l'Antibiogramme Méningocoques avec la méthode DISK pour la Pénicilline, la syntaxe est : <code>\$_571 = [resist_sensible.R] ON('B650')</code> |

Suivre le même procédé indiqué dans l'exemple 1 pour retrouver les valeurs correspondantes :

- 571 est l'identifiant de la variable dans LabBook.

The screenshot shows the LabBook interface. At the top, there is a navigation bar with icons for 'Administratif', 'Rapports', 'Paramétrages', 'Qualité', and 'Non conformité'. The user is logged in as 'Bernard BIO'. Below the navigation bar, there is a purple bar labeled 'Analyse'. The main content area is divided into two sections: 'Analyse' and 'Variables'. In the 'Analyse' section, the 'Code' field is set to 'B650', the 'Désignation de l'acte' is 'Antibiogramme Méningocoques [DISK]', and the 'Abréviation' is 'ABG Méningocoques'. The 'Famille d'analyse' is 'Bactériologie' and the 'Type de prélèvement' is empty. The 'Unité de cotation' is 'B' and the 'Valeur de cotation' is empty. The 'Analyse active' is set to 'Oui' and 'Export whonet' is set to 'Non'. The 'Commentaires' field contains '[WHONET]'. In the 'Variables' section, there is a search bar with the text 'Chercher une variable' and a dropdown menu with the text 'Cliquez pour commencer une recherche'. Below the search bar, there is a table with columns for 'Libellé', 'Code var.', and 'id'. The 'Libellé' field is set to 'Pénicilline', the 'Code var.' field is '571', and the 'id' field is '571', which is highlighted with a red box. At the bottom of the page, there is a footer with the text 'Version : 3.0.12 | Contributeurs'.

Figure 16 : Id de la variable Pénicilline

- resist_sensible est le nom du dictionnaire.
- R est le code de la valeur « Résistant ».

Nom du dictionnaire: **resist_sensible** Ajouter une valeur

Valeurs

| Action | Libellé * | Code * | Libellé court | |
|-----------|---------------|----------|---------------|----|
| Supprimer | Résistant | R | R | 10 |
| Supprimer | Intermédiaire | I | I | 20 |
| Supprimer | Sensible | S | S | 30 |
| Supprimer | Non effectué | NE | NE | 40 |

Version : 3.0.12 | [Contributeurs](#)

Figure 17 : Dictionnaire resist_sensible

650 correspond au code de l'analyse « Antibiogramme Méningocoques » avec la méthode DISK.

Rechercher

Désignation de l'acte:

Famille d'analyse:

Type de prélèvement:

Analyse active:

Q Rechercher

Nombre total de lignes : 2
Premier Précédent 1 Suivant Dernier

| Action | Code | Désignation | Abréviation | Famille | Statut | Produit bio. |
|----------------|------|------------------------------------|-------------------|---------------|--------|--------------|
| + | B650 | Antibiogramme Méningocoques [DISK] | ABG Méningocoques | Bactériologie | Activé | |
| + | B670 | Antibiogramme Méningocoques [CM] | ABG Méningocoques | Bactériologie | Activé | |

Version : 3.0.12 | [Contributeurs](#)

Figure 18 :Analyse B650

Une liste complète des syntaxes reconnues est jointe dans l'annexe.

c) Valeurs prises par la colonne « type_sample »

Type_sample prend un numéro identifiant correspondant au type de prélèvement (cf tableau ci-dessous). Il permet aussi de filtrer sur le type de prélèvement. Si vous ne souhaitez pas filtrer sur le prélèvement alors mettre 0.

| type_sample | label |
|-------------|---------------------------------|
| 34 | Liquide de ponction articulaire |
| 35 | Liquide de ponction ascite |
| 38 | Biopsie |
| 50 | Crachat |
| 56 | Lavage Broncho Alvéolaire |
| 75 | Prélèvement gorge |
| 99 | Liquide Céphalo-Rachidien |
| 100 | Liquide de ponction bronchique |
| 102 | Liquide de ponction alvéolaire |
| 104 | Liquide de ponction pleural |
| 138 | Sang |
| 141 | Selles |
| 152 | Prélèvement urétral |
| 153 | Urine |
| 162 | Prélèvement vaginal |
| 163 | Autre |
| 1000 | Prélèvement génital |
| 1014 | Eau potable |
| 1015 | Eau usée |
| 1016 | Eau de surface |
| 1189 | Prélèvement pus |

Exemple d'une feuille de calcul :

| | dhis2_label | version | filter | type_sample | categorieoptioncombo | attributoptioncombo | orgunit | storedby |
|----|--|---------|---|-------------|----------------------|---------------------|---------|----------|
| 2 | Autres especes | v3 | \$_614 = [especepalv.autres] | 138 | | | | |
| 3 | Autre shigelles | | \$_344 IN ([bacterie.26], [bacterie.27], [bacterie.28]) | 141 | | | | |
| 4 | Bacilles a Gram (-) polymorphes | | \$_333 = [gram.2] | 99 | | | | |
| 5 | Bacilles mobiles polaires incurves a Gram (-) | | \$_636 = [yom.1] AND \$_637 = [yom.1] | 141 | | | | |
| 6 | Candida albicans (Prelevement Vaginal) | | \$_361 = [bacterie.33] | 162 | | | | |
| 7 | Candida albicans (Prelevement Uretral) | | \$_344 = [bacterie.33] | 152 | | | | |
| 8 | Chlamydia trachomatis direct (Prelevement Vaginal) | | \$_212 = [absent.present] | 162 | | | | |
| 9 | Chlamydia trachomatis direct (Prelevement Uretral) | | \$_236 = [absent.present] | 152 | | | | |
| 10 | D - S. mansoni | | \$_641 = [shisto2.S.manson] | 141 | | | | |
| 11 | Diplocoq. a Gram (-) (Prelevement Uretral) | | \$_353 = [absent.present] | 152 | | | | |
| 12 | Diplocoq. a Gram (-) (Prelevement Vaginal) | | \$_353 = [absent.present] | 162 | | | | |
| 13 | Diplocoque a Gram (-) | | \$_333 = [gram.21] | 99 | | | | |
| 14 | Diplocoque a Gram (+) | | \$_333 = [gram.20] | 99 | | | | |
| 15 | Hjb | | \$_344 = [bacterie.15] | 99 | | | | |
| 16 | Levures (Prelevement Uretral) | | \$_356 IN ([nombre.3], [nombre.4], [nombre.5]) | 152 | | | | |

Figure 19 : Feuille de calcul lue vue Excel

```

1 dhis2_label;version;filter;type_sample;categorieoptioncombo;attributeoptioncombo;orgunit;storedby
2 Autres especes;v3;$_614 = [especepalu.autres];138;;;
3 Autre shigelles;;$_344 IN ([bacterie.26], [bacterie.27], [bacterie.28]);141;;;
4 Bacilles a Gram (-) polymorphes;;$_333 = [gram.2];99;;;
5 Bacilles mobiles polaires incurves a Gram (-);;$_636 = [yorn.1] AND $_637 = [yorn.1];141;;;
6 Candida albicans (Prelevement Vaginal);;$_361 = [bacterie.33];162;;;
7 Candida albicans (Prelevement Uretral);;$_344 = [bacterie.33];152;;;
8 Chlamydia trachomatis direct (Prelevement Vaginal);;$_212 = [absent.present];162;;;
9 Chlamydia trachomatis direct (Prelevement Uretral);;$_236 = [absent.present];152;;;
10 D - S. mansoni;;$_641 = [shisto2.S.mansoni];141;;;
11 Diplocoq. a Gram (-) (Prelevement Uretral);;$_353 = [absent.present];152;;;
12 Diplocoq. a Gram (-) (Prelevement Vaginal);;$_353 = [absent.present];162;;;
13 Diplocoque a Gram (-);;$_333 = [gram.21];99;;;
14 Diplocoque a Gram (+);;$_333 = [gram.20];99;;;
15 Hib;;$_344 = [bacterie.15];99;;;
16 Levures (Prelevement Uretral);;$_356 IN ([nombre.3], [nombre.4], [nombre.5]);152;;;
17 Levures (Prelevement Vaginal);;$_356 IN ([nombre.3], [nombre.4], [nombre.5]);162;;;

```

Figure 20 : Feuille de calcul lue vue Bloc note

d) Fichier de données DHIS2 extrait de LabBook

Le fichier de données DHIS2 récupérées à partir de LabBook est au format CSV. Les valeurs sont séparées par des virgules (,) et l’encodage utilisé est UTF-8. La feuille contient onze (11) colonnes :

- **dataelement** : nom de l’élément de données
- **period** : Hebdomadaire (ex. 2021W25) ou Mensuel (ex. 202106)
- **orgunit** : nom de l’unité d’organisation
- **categorieoptioncombo** : Propriété obtenu du DHIS2
- **attributeoptioncombom** : Propriété obtenu du DHIS2
- **value** : valeur de l’élément de données
- **storedby** : nom d’utilisateur
- **lastupdated** : date de dernière modification
- **comment** : votre commentaire
- **followup** : (laisser vide)
- **deleted** : (laisser vide)

NB : Assurez-vous que :

- Les valeurs de la colonne « orgunit » correspondent à une unité d’organisation dans le DHIS2.
- Les valeurs de la colonne « storedby » correspondent à un nom d’utilisateur DHIS2 autorisé à accéder aux éléments de données de la colonne A.

| dataelement | period | orgunit | categoryoptioncombo | attributeoptioncombo | value | storedby | lastupdated | comment | followup | deleted |
|--|---------|--------------------|---------------------|----------------------|-------|----------|---------------------|---------|----------|---------|
| Autres especes | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87145 | 2xCFaze87145 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Autre shigelles | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87146 | 2xCFaze87146 | 5 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Bacilles a Gram (-) polymorphes | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87147 | 2xCFaze87147 | 4 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Bacilles mobiles polaires incurves a Gram (-) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87148 | 2xCFaze87148 | 2 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Candida albicans (Prelevement Vaginal) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87149 | 2xCFaze87149 | 1 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Candida albicans (Prelevement Uretral) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87150 | 2xCFaze87150 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Chlamydia trachomatis direct (Prelevement Vaginal) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87151 | 2xCFaze87151 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Chlamydia trachomatis direct (Prelevement Uretral) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87152 | 2xCFaze87152 | 1 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| D - S. mansoni | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87153 | 2xCFaze87153 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Diplocoq. a Gram (-) (Prelevement Uretral) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87154 | 2xCFaze87154 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Diplocoq. a Gram (-) (Prelevement Vaginal) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87155 | 2xCFaze87155 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Diplocoque a Gram (-) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87156 | 2xCFaze87156 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Diplocoque a Gram (+) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87157 | 2xCFaze87157 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Hib | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87158 | 2xCFaze87158 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Levures (Prelevement Uretral) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87159 | 2xCFaze87159 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Levures (Prelevement Vaginal) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87160 | 2xCFaze87160 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Meningo A | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87161 | 2xCFaze87161 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Meningo B | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87162 | 2xCFaze87162 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Meningo C | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87163 | 2xCFaze87163 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Meningo W135 | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87164 | 2xCFaze87164 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |
| Neisseria gonorrhoeae (Prelevement Uretral) | 2023W17 | Nom du laboratoire | 2xCFaze87165 | 2xCFaze87165 | 0 | User | 2023-05-02T14:11:42 | | FALSE | |

Figure 21 : Extrait fichier de données DHIS2 LabBook

Annexe

Exemple de syntaxes reconnues par la colonne « filter »

| Formule | Définition |
|--|---|
| \$_IDVARIABLE = [NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE] | Sélectionne les analyses dont l'un des résultats correspond à la valeur indiquée |
| \$_IDVARIABLE > VALEUR_NUMERIQUE | Sélectionne les analyses dont l'un des résultats est supérieure à la VALEUR_NUMERIQUE |
| \$_IDVARIABLE = [NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE] AND \$_IDVARIABLE > VALEUR_NUMERIQUE | Sélectionne les analyses dont l'un des résultats correspond à la valeur indiquée et est supérieure à la VALEUR_NUMERIQUE |
| \$_IDVARIABLE IN ([NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE1], [NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE2], [NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE3], ...) : | Sélectionne les analyses dont l'un des résultats correspond à l'une des valeurs indiquées |
| \$_IDVARIABLE NOT IN ([NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE1], [NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE2], [NOM_DU_DICTIONNAIRE.CODE3], ...) | Sélectionne les analyses dont l'un des résultats ne correspond pas aux valeurs indiquées {IDVARIABLE1, IDVARIABLE2, IDVARIABLE3, ...} sélectionne les analyses dont le résultat comporte l'une des variables listées. |
| {IDVARIABLE1, IDVARIABLE2, IDVARIABLE3, ...} | Sélectionne les analyses dont le résultat contient une des variables listées |
| CAT(SEX_M) | Sélectionne les analyses dans les fiches concernant les patients hommes |
| CAT(SEX_F) | Sélectionne les analyses dans les fiches concernant les patients femmes |
| CAT(AGE_1) | Sélectionne les analyses dans les fiches concernant les patients dont l'âge est dans l'intervalle 1 (voir paramétrage des tranches d'âge dans menu Réglages => Tranches d'âge) |
| CAT(SEX_M,AGE_2) | Sélectionne les analyses dans les fiches concernant les patients masculins et dont l'âge est dans l'intervalle 2 |
| NB_REC_SAVED | Nombre d'enregistrements avec statut administratif au moins dans la période |
| NB_ANA_SAVED | Nombre d'analyses prescrites dans la période |
| NB_SAMP_OUTSOURCED | Nombre d'échantillons externalisés sur la période |
| NB_STAFF | Nombre d'employés |

| | |
|---------------------------------------|---|
| NB_SECRETARY_TYPE | Nombre de secrétaire et de secrétaire avancé |
| NB_TECHNICIAN_TYPE | Nombre de techniciens, techniciens supérieurs et techniciens qualitatifs |
| NB_QUALITICIAN_TYPE | Nombre de qualitatif et technicien qualitatif |
| NB_BIOLOGIST_TYPE | Nombre de biologiste |
| NB_EQUIPMENT | Nombre d'équipements |
| NB_EQP_BREAKDOWN | Nombre d'équipements cassés dans la période |
| NB_PROCEDURE | Numéro de procédure |
| NB_PRODUCT_WITH_EXPIRY_WARNING | Nombre de produits avec avis de péremption par rapport à la date actuelle |
| NB_PRODUCT_WITH_EXPIRY_ALERT | Nombre de produit avec alerte de péremption par rapport à la date du jour |
| NB_PRODUCT_UNDER_SAFE_LIMIT | Nombre de produits sous la limite de sécurité |
| NB_PRODUCT_OUT_OF_STOCK | Nombre de produits en rupture de stock |
| NB_OPEN_NON_CONFORMITY | Nombre de non-conformités ouvertes |
| NB_NON_CONFORMITY | Nombre de non-conformités (ouvertes et fermées) dans la période |
| NB_INTERNAL_QUALITY_CONTROL | Nombre de contrôle interne (même sans résultat) |
| NB_INTERNAL_QUALITY_RESULT | Nombre de résultats du contrôle interne dans la période |
| NB_EXTERNAL_QUALITY_CONTROL | Nombre de contrôle externe (même sans résultat) |
| NB_MEETING | Nombre de réunions dans la période |